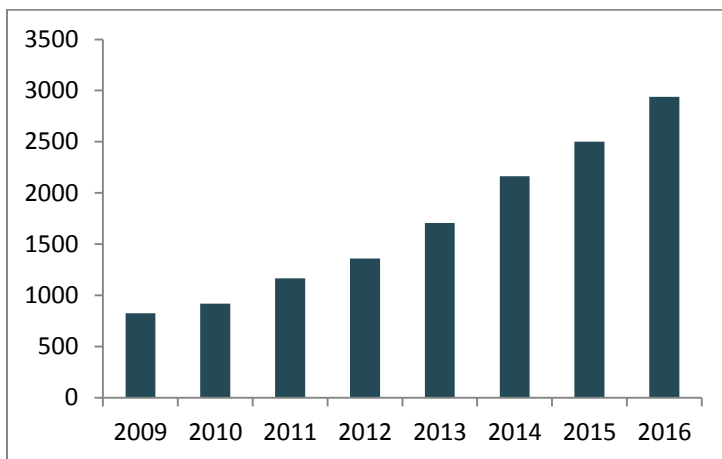
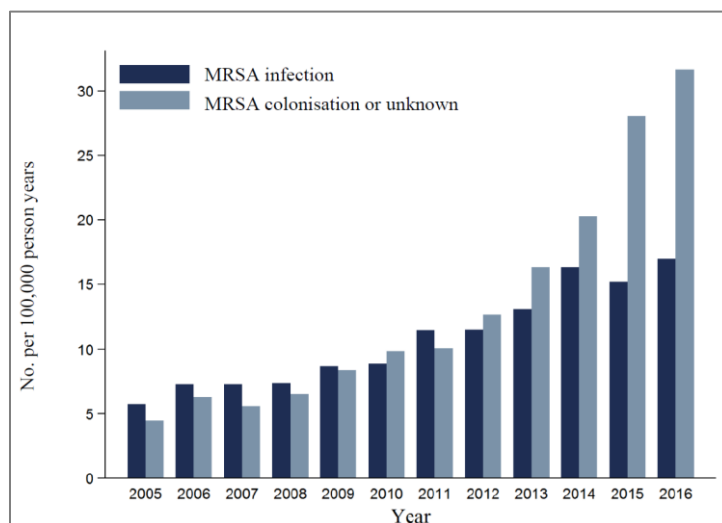


## Viktig informasjon fra MRSA referanselaboratorium. Desember 2017

De siste årene har det vært en betydelig økning i antall påviste MRSA i Norge, og i 2016 mottok MRSA referanselaboratorium over 2600 unike stammer (Figur 1 og 2). Ca. 2/3 av disse er bærerskap, og andelen bærerskap er økende. For å frigjøre tid til andre oppgaver ved referanselaboratoriet, som økt implementering av helgenomsekvensering på utvalgte stammer og i utbruddsopklaring, er det nå besluttet at vi bare skal genotype et utvalg av alle tilsendte isolater, jmf. prioriteringslisten på neste side. Avgjørelsen er tatt i samarbeid med FHI og er forankret i referansegruppen for MRSA under årsmøtet i november 2017. Vi ønsker fortsatt full oversikt over resistens, og dagens praksis med at laboratoriene sender inn resultat av resistens fortsetter som før. Vi vil fortsatt confirmere MRSA/*S.aureus* og bestemme PVL, og alle stammer vil lagres i vår stammebank.



**Figur 1:** Antall mottatte stammer per år ved MRSA referanselaboratorium.



**Figur 2:** Antall MRSA koloniseringer og infeksjoner. Kilde: FHI og NORM-VET 2016.

### **Følgende isolater prioriteres til genotyping:**

- Alle infeksjoner
- Invasive isolater
- Isolater fra inneliggende pasienter på sykehus og sykehjem
- Isolater fra helsearbeidere
- Stammer relatert til utbrudd
- Isolater fra personer med tilknytning til dyrehold
  - Bosted på gård eller yrkesmessig dyretilknytning (bonde, røkter, veterinær, arbeid i dyretransport eller på slakteri)
- Stammer med uttalt multiresistens eller spesielle resistensprofiler (f eks resistens mot linezolid eller vankomycin)
- I tillegg vil det utføres genotyping av ca. 350 tilfeldig utvalgte stammer per år, f.eks. de 30 første per måned.

For å kunne prioritere riktig, er vi avhengig av at informasjonen dere får fra rekvirent når fram til oss. Det foreligger en ny oppdatert rekvisisjon som skal gjøre det mulig å fylle ut opplysningene der. I tillegg har vi i siste nyhetsbrev bedt om å få med kopi av primærrekvisisjonen. Enkelte laboratorier der rekvirentene bruker elektronisk rekvirering har gitt tilbakemelding om at det er problematisk å få skrevet ut en fornuftig kopi, i slike tilfeller ber vi om at dere overfører informasjonen til vår rekvisisjon (inkl informasjon om rekvirenten). Vi er klar over at det ofte er mangelfull informasjon på primærrekvisisjonene og at enkelte isolater som burde vært genotypet ikke vil bli det med ny praksis. Dersom det senere skulle tilkomme opplysninger fra rekvirent eller MSIS som tilsier behov for genotyping, kan dette utføres i etterkant.

Lenke til ny rekvisisjon (Klikk på «Innsending av isolater og resistensdata»): <https://stolav.no/fag-og-forskning/lab/nasjonalt-referanselaboratorium-mrsa>

Lenke til siste nyhetsbrev (november 2017):

<https://stolav.no/Laboratoriemedisin/Avdeling%20for%20medisinsk%20mikrobiologi/MRSA/Nyhettsbrev%20november%202017.pdf>

Håper dette er forståelig og at endringen ikke vil by på problemer. Ta gjerne kontakt ved eventuelle spørsmål.

God jul og godt nyttår!

Med vennlig hilsen

Hege Enger

Ailin Falkmo Hansen

Overlege ved MRSA referanselab

Fagansvarlig bioingeniør